

멀티모달 화합물-전사체-단백질 통합 파운데이션 모델 기반 고정밀 ADMET 예측 기술 개발

주관기관: 송실대학교

공동기관1: 한국화학연구원
공동기관2: (주)온코크로스

주관 책임자

류재용 (송실대학교)

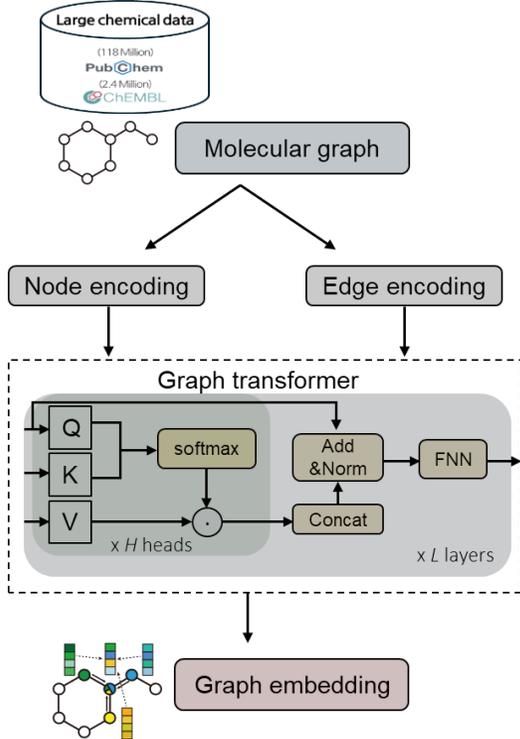
공동 책임자

장우대 (한국화학연구원)

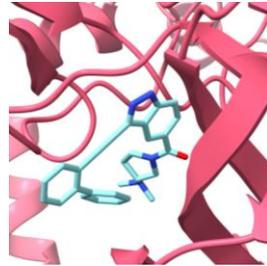
공동 책임자

김이랑 ((주)온코크로스)

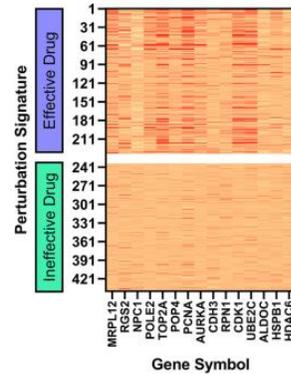
화합물 구조 기반 단일 모달리티 파운데이션 모델의 한계



1. 단백질 상호작용 정보 부재



2. 유전자 발현 정보 부재



멀티 모달리티 기반 고정밀 ADMET 예측 전략

1. 화학 구조 기반 파운데이션 모델

- 화학 구조 기반 파운데이션 모델 구축
- *In vivo* PK 특화 모델 구축

2. 단백질 상호작용 기반 파운데이션 모델

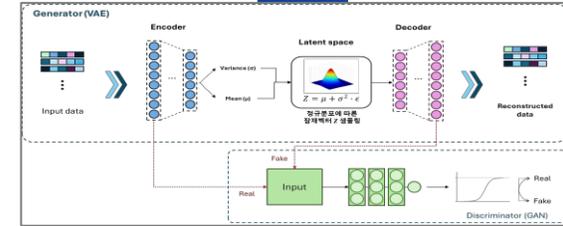
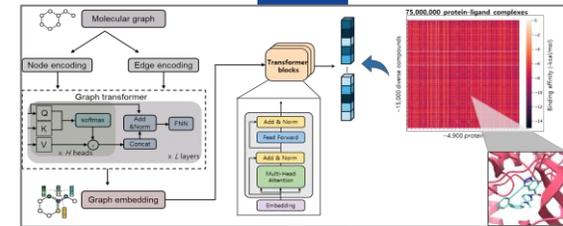
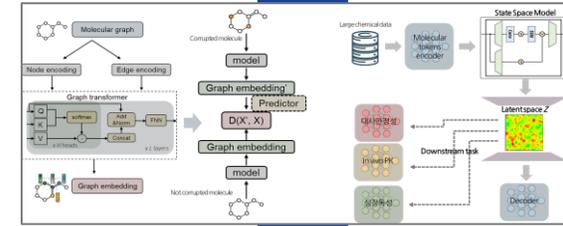
- 단백질-리간드 결합 데이터 분석
- 단백질-리간드 결합 파운데이션 모델 구축

3. 전사체 데이터 기반 파운데이션 모델

- 전사체 파운데이션 모델 구축
- 약물-구조 전사체 기반 파운데이션 모델 구축

4. 선행 연구 결과 기반 모델 고도화

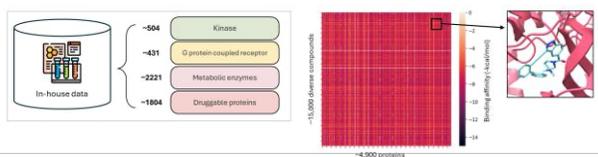
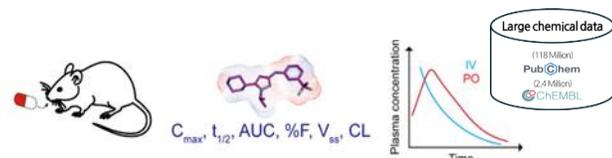
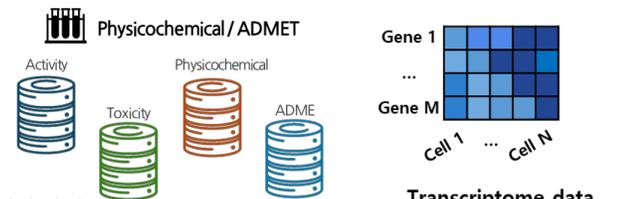
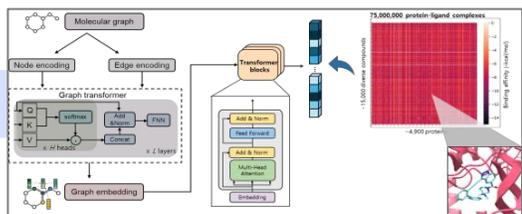
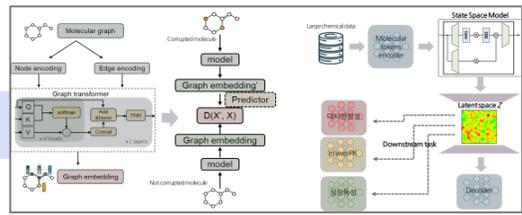
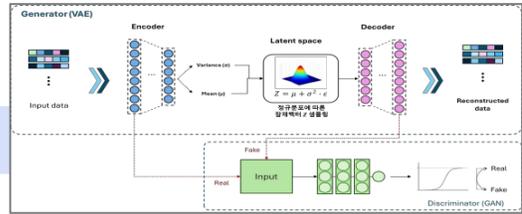
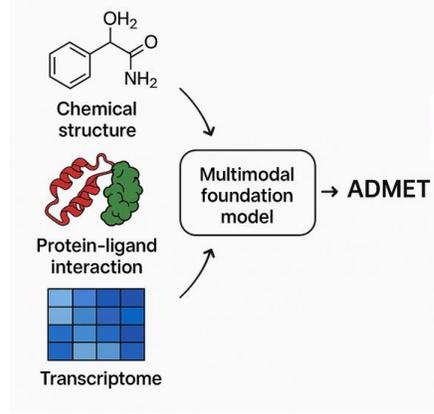
- 선행 ADMET 전문 모델을 활용한 pseudo labelling



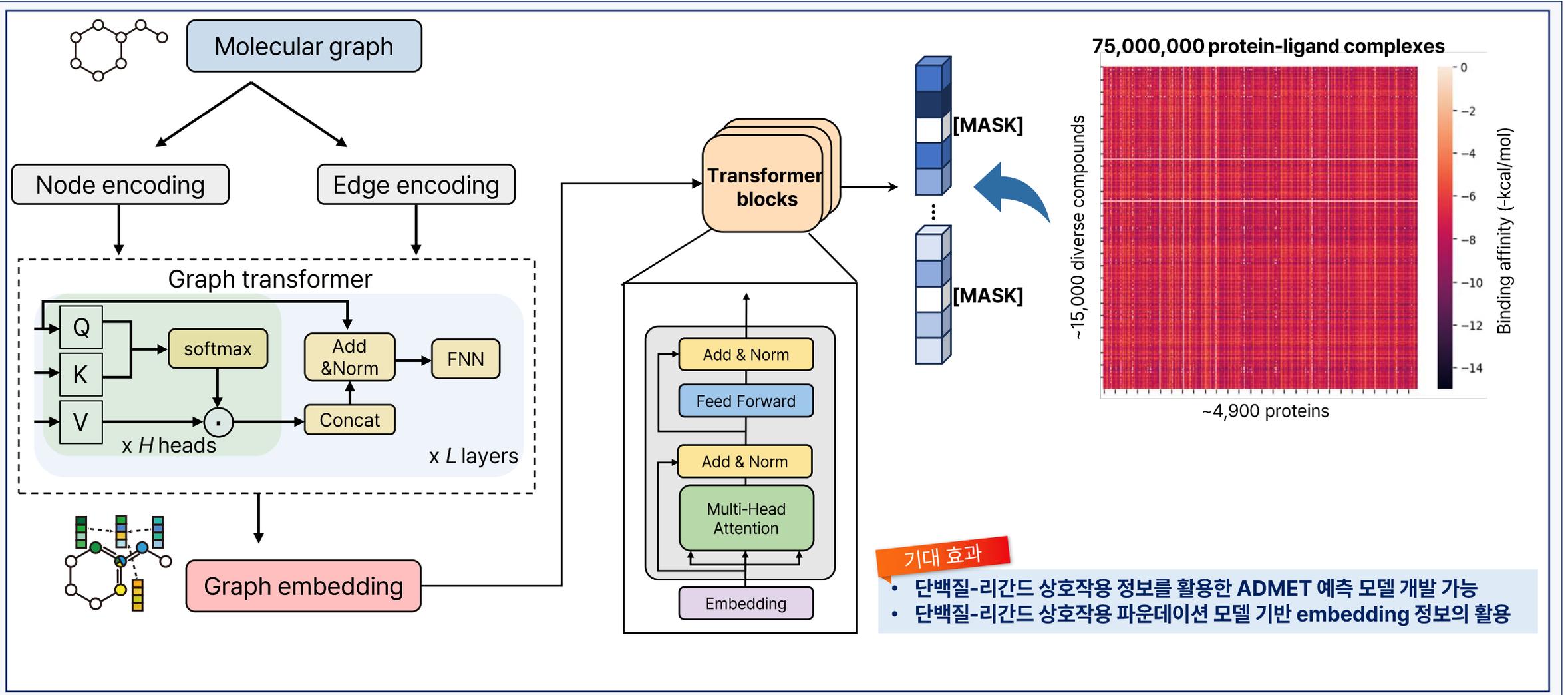
약물 상호작용 예측 (PNAS, 2018) | 심장 독성 예측 (Bioinformatics, 2020) | 대사 안정성 예측 (Bioinformatics, 2022) | 급성 흡입 독성 예측 (BMC Bioinformatics, 2023) | 약물 상호작용 예측 (PNAS, 2023) | 혈장 안정성 (CSB, 2023)

멀티모달 파운데이션 모델 기반 ADMET 예측

· 최종 목표 : 멀티모달 화합물-전사체-단백질 통합 파운데이션 모델 기반 고정밀 ADMET 예측 기술 개발

1차년도	2차년도	3차년도
<p>연구개발 목표</p> <ul style="list-style-type: none"> 멀티모달 화합물-전사체-단백질 통합 파운데이션 모델 구축을 위한 데이터 수집 및 분석 	<p>연구개발 목표</p> <ul style="list-style-type: none"> 멀티모달 화합물-전사체-단백질 통합 파운데이션 모델 구축 	<p>연구개발 목표</p> <ul style="list-style-type: none"> 멀티모달 화합물-전사체-단백질 통합 파운데이션 모델 최적화
<p>단백질-리간드 상호작용 데이터 분석</p>  <p>In vivo PK 데이터 확보 및 전처리</p>  <p>약물 유도 전사체 데이터 확보 및 전처리</p> 	<p>단백질 상호작용 데이터 기반 파운데이션 모델 구축</p>  <p>화학 구조 기반 파운데이션 모델 구축</p>  <p>전사체 데이터 기반 파운데이션 모델 구축</p> 	<p>Mixture of experts (MoE)</p>  <p>멀티 모달리티 기반 통합 파운데이션 모델 최적화 및 검증</p>  <p>  </p>

단백질-리간드 복합체 파운데이션 모델 구축



멀티모달 화합물-전사체-단백질 통합 파운데이션 모델 기반 ADMET 예측 모델 구축

선행 연구 결과 기반 모델 고도화

Mixture of experts (MoE)

약물 상호작용 예측
(PNAS, 2018)

심장 독성 예측
(Bioinformatics, 2020)

대사 안정성 예측
(Bioinformatics, 2022)

급성 흡입 독성 예측
(BMC Bioinformatics, 2023)

약물 상호작용 예측
(PNAS, 2023)

혈장 안정성
(CSBJ, 2023)

In-house database

Physicochemical / ADMET

Activity

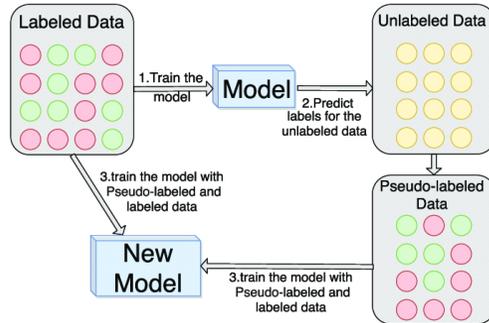
Toxicity

Physicochemical

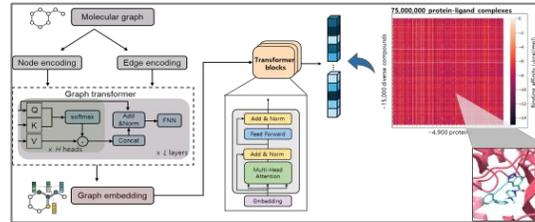
ADME

Labeled molecules

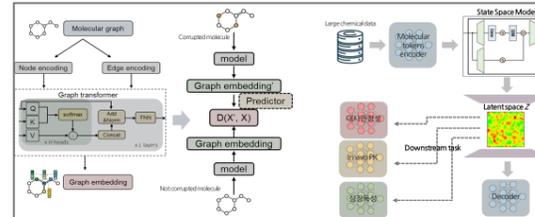
Pseudo-labeling



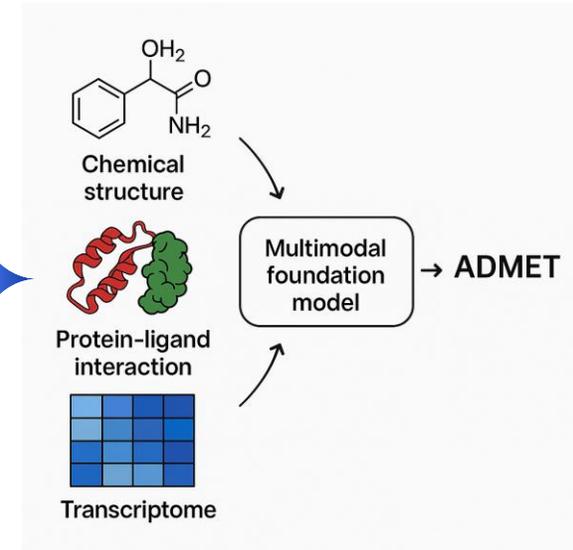
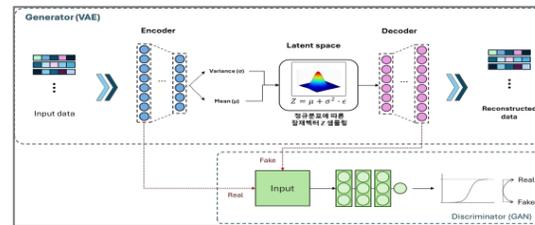
화학 구조 기반 파운데이션 모델



단백질 상호작용 기반 파운데이션 모델



전사체 데이터 기반 파운데이션 모델



장우대

- 한국화학연구원 선임연구원



혈장 안정성 예측 모델 (CSBJ, 2023)



Software/web server links: PreAD: Attention-based graph neural network for predicting stability of compounds in human plasma

Woo Da Jung^{1*}, Joon Jang^{1*}, Jin Soek Song¹, Seungho Ahn^{1*}, Kwang-Sook Oh^{1,2*}

1) Korea Research Chemical Institute, P.O. Box 107, Yusong, Taejeon 305-380, Korea; 2) Department of Chemical Engineering, Seoul National University, Seoul 151-747, Korea

ABSTRACT: Stability of compounds in the human plasma is a critical factor in drug discovery and development. The rapid development of compounds in the drug discovery process has led to the need for efficient prediction of plasma stability...

1. Introduction: The stability of compounds in the human plasma is a critical factor in drug discovery and development. Efficiently predicted plasma stability is essential for the development of new drugs...

ABSTRACT: Attention-based graph neural network for predicting stability of compounds in human plasma. PreAD: Attention-based graph neural network for predicting stability of compounds in human plasma...

2023 October 2023 The Authors. Published by John Wiley & Sons, Ltd. on behalf of John Wiley & Sons Ltd. Computational and Structural Biotechnology Journal

주요 약력

- 한국화학연구원 신약정보기술연구센터 선임연구원
- KAIST 생명화학공학과 공학박사
- UST 의약화학 및 약리생물학 조교수
- (前) KAIST 생물공정연구센터 연구원

급성 독성 예측 모델 (BMC Bioinformatics, 2023)



PredAOT: A computational framework for prediction of acute oral toxicity based on multiple random forest models

Min Goo Jang^{1*}, Jidong Jang^{1*}, and Kwang-Sook Oh^{1,2*}

1) Korea Research Chemical Institute, P.O. Box 107, Yusong, Taejeon 305-380, Korea; 2) Department of Chemical Engineering, Seoul National University, Seoul 151-747, Korea

ABSTRACT: Acute oral toxicity of drug candidates can lead to drug development failure. Thus, predicting the acute oral toxicity of small compounds is important for a successful drug development. However, the prediction of acute oral toxicity is a challenging task due to the lack of experimental data...

Background: Acute oral toxicity of drug candidates can lead to drug development failure. Thus, predicting the acute oral toxicity of small compounds is important for a successful drug development...

ABSTRACT: Acute oral toxicity of drug candidates can lead to drug development failure. Thus, predicting the acute oral toxicity of small compounds is important for a successful drug development...

2023 October 2023 The Authors. Published by John Wiley & Sons, Ltd. on behalf of John Wiley & Sons Ltd. BMC Bioinformatics

코로나바이러스 치료제 개발 (PNAS, 2021)



Drugs repurposed for COVID-19 by virtual screening of 6,218 drugs and cell-based assay

Woo Da Jung^{1*}, Seungho Ahn^{1*}, Kwang-Sook Oh^{1,2*}, and Sang Yoon Lee^{1,2*}

1) Korea Research Chemical Institute, P.O. Box 107, Yusong, Taejeon 305-380, Korea; 2) Department of Chemical Engineering, Seoul National University, Seoul 151-747, Korea

ABSTRACT: The COVID-19 pandemic caused by SARS-CoV-2 is an unprecedented zoonotic disease. The search for effective drugs to treat COVID-19 is a high priority. We performed a virtual screening of 6,218 drugs and cell-based assay to identify potential COVID-19 treatments...

Background: The COVID-19 pandemic caused by SARS-CoV-2 is an unprecedented zoonotic disease. The search for effective drugs to treat COVID-19 is a high priority. We performed a virtual screening of 6,218 drugs and cell-based assay to identify potential COVID-19 treatments...

ABSTRACT: The COVID-19 pandemic caused by SARS-CoV-2 is an unprecedented zoonotic disease. The search for effective drugs to treat COVID-19 is a high priority. We performed a virtual screening of 6,218 drugs and cell-based assay to identify potential COVID-19 treatments...

2021 November 2021 The Authors. Published by John Wiley & Sons, Ltd. on behalf of John Wiley & Sons Ltd. PNAS

항암제 개발 (Biomedicines, 2022)



CDI Exerts Anti-Tumor Effects by Blocking the FOXM1-DNA Interaction

Min Goo Jang^{1*}, Mi Young Lee^{1*}, Jinyoung Kim^{1*}, Crystal Lee^{1,2*}, and Kwang-Sook Oh^{1,2*}

1) Korea Research Chemical Institute, P.O. Box 107, Yusong, Taejeon 305-380, Korea; 2) Department of Chemical Engineering, Seoul National University, Seoul 151-747, Korea

ABSTRACT: FOXM1 is a transcription factor that plays a key role in cell proliferation and tumor progression. Inhibition of FOXM1 activity is a potential therapeutic strategy for cancer treatment. We investigated the anti-tumor effects of CDI on FOXM1-DNA interaction...

1. Introduction: FOXM1 is a transcription factor that plays a key role in cell proliferation and tumor progression. Inhibition of FOXM1 activity is a potential therapeutic strategy for cancer treatment. We investigated the anti-tumor effects of CDI on FOXM1-DNA interaction...

ABSTRACT: FOXM1 is a transcription factor that plays a key role in cell proliferation and tumor progression. Inhibition of FOXM1 activity is a potential therapeutic strategy for cancer treatment. We investigated the anti-tumor effects of CDI on FOXM1-DNA interaction...

2022 November 2022 The Authors. Published by John Wiley & Sons, Ltd. on behalf of John Wiley & Sons Ltd. Biomedicines

코로나바이러스 치료제 (국내 특허 등록, 2023)



특허증 (CERTIFICATE OF PATENT)

특허번호: 제 10-2609352 호

출원번호: 제 10-2021-0055736 호

출원일자: 2023년 04월 29일

등록일자: 2023년 11월 29일

발명자: 장우대, 이진영, 김진영, 이결, 오광수

특허청장 (Korean Intellectual Property Office)

이 특허는 '특허법'에 따라 특허청에 등록되었음을 증명합니다. This is to certify that, in accordance with the Patent Act, a patent for the invention has been registered at the Korean Intellectual Property Office.

2023년 11월 29일

특허청장 (Korean Intellectual Property Office)

연구 실적 및 주요 성과

- 인공지능 및 컴퓨터 기반 신약개발 관련 우수 연구성과 보유
- PNAS를 포함한 SCIE급 논문 총 23편 게재 (주저자: 11편), 특허 출원 4건/등록 2건
- 과기부 'AI 활용 혁신신약개발 사업' 및 '국가신약개발사업' 과제 수행 중
- 다수 제약사와 AI 활용 신약개발 프로젝트 수행 중 (유한양행, 동아ST-레드엔비아, 타스컴등)
- 국책 연구소 전략과제 '인공지능 기반 ADMET 예측 플랫폼' 구축 프로젝트 수행 중
- ADMET 모델 구축으로 논문 2편 게재, 국내 특허 2건 출원

한국화학연구원은 **ADMET/PK 기본모델 구축, 데이터 전처리 도구 개발** 수행

AI 신약개발 전문가와 신약개발/약동력학 전문가로 연구팀 구성

모델 학습용 계산 자원 및 웹서비스

✓ 자체적인 AI 모델 구축 장비 확보 및 웹서비스 경험 보유

<로컬 계산 자원 확보>



<ADMET 웹 서비스 운영 경험>



System	CPU	GPU	Application
SuperServer 740GP-TNRT	Intel(R) Xeon(R) Gold 6150 CPU @ 2.70GHz 36 core	Tesla V100 (4EA)	데이터 전처리 도구 개발
SuperServer SYS-740GP-TNRT	Intel(R) Xeon(R) Gold 6348 CPU @ 2.60GHz 56 core	RTX A6000 (4EA)	
SuperServer 740GP-TNRT	Intel(R) Xeon(R) Gold 6242R CPU @ 3.10GHz 80 core	Tesla V100 (4EA)	ADMET/PK 기본모델 구축
SuperServer SYS-521GE-TNRT	Intel(R) Xeon(R) Gold 6526 CPU @ 2.80GHz 32 core	RTX PRO6000 (3EA), 7월 도입 예정	

연구진 구성

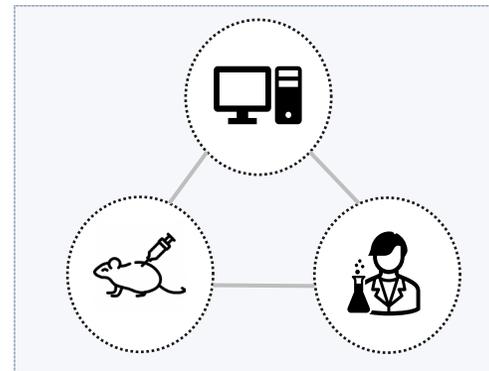
✓ AI 모델 및 약동력학 도메인 전문가로 구성

장우대 박사 (공동연구과제 책임자)



- ✓ 한국화학연구원 선임연구원
- ✓ KAIST 생명화학공학 박사

AI 신약개발 전문가



- AI 모델 개발 및 신약개발/약동력학 전문가로 연구팀 구성
- 신약개발/약동력학 분야에서 10년 이상의 연구 경험을 가진 참여 연구원 (박사급 1명, 석사급 1명)
- 신약개발 도메인 지식을 활용한 데이터 품질 관리, 모델 검증 및 최적화

멀티모달 화합물-전사체-단백질 통합 파운데이션 모델 기반 고정밀 ADMET 예측 기술 개발

단백질 상호작용 기반 모델



마일스톤

1차년도: 파운데이션 모델용 데이터셋 준비 및 태스크 맞춤형 전처리 도구 개발

- 파운데이션 모델용 데이터셋 확보
- 태스크에 따른 맞춤형 전처리 도구 개발

2차년도: 멀티 모달리티 기반 파운데이션 모델 개발

- 멀티 모달리티 기반 파운데이션 모델 데이터 확보
- ADMET 태스크 모델 개발에 활용 가능한 멀티 모달리티 기반 파운데이션 모델 구축

3차년도: FAM 기본 모델 개발 및 성능 검증

- AI 기반 ADMET 예측 모델(FAM) 개발
- 멀티태스크 전략 기반 성능 고도화
- 연합학습 기반 모델 고도화

정성/정량 목표

성과지표 및 목표치

- ADMET 및 PK 예측 기본 모델 개발 3건 이상
- ADMET 태스크 성능 개선 모델 확보 2건 이상
- SCI(E) 학술지 등록 건수: JCR 10% 이내 포함 3편
- 특허 출원 건수: 3건
- 데이터 전처리 도구를 포함한 SW 등록 2건 및 인증 2건 이상
- 추가 공개 데이터 공급 보고서 1건 이상 제작
- FAM 솔루션 사용자 매뉴얼 1건 이상 제작
- FAM 솔루션 활용 선도 물질 최적화 성공 사례 2건 이상 달성

성능지표 및 측정방법

- 분류 모델: AUROC 기본 모델 대비 5% 이상 증가
- 회귀 모델: RMSE 기본 모델 대비 5% 이상 감소